

IMAGES NUMÉRIQUES

applications en biologie

L'Isle d'Abeau, Février 2008*

Résumé

Les images numériques obtenues au laboratoire contiennent des informations qualitatives et quantitatives sur les objets biologiques étudiés (organismes, tissus, cellules ou molécules, selon l'échelle choisie).

Ces images peuvent être mises en valeur dans la réalisation d'un montage didactique. En effet, lors de la préparation d'une présentation (poster, diapositive, illustration d'un cours), il est assez fréquent de vouloir composer une image à partir de plusieurs fichiers d'origines diverses (scanner, caméra numérique montée sur un microscope, téléchargements sur internet, copies d'écran etc.). Ces images sources ont généralement des caractéristiques très différentes qu'il faut être capable d'analyser et de modifier avant d'attaquer le travail de composition.

Des informations quantitatives peuvent aussi être extraites de ces images à l'aide de logiciels d'analyse. Les informations, devenues des données, peuvent alors être manipulées, stockées dans des bases de données et comparées avec les résultats d'autres expériences.

Ce document propose quelques activités de traitement et de composition d'images avec le logiciel Gimp et, à travers des problèmes biologiques simples (éventuellement exploitables en classe), illustre quelques unes des fonctions d'analyse du logiciel ImageJ.

L'ensemble des documents présentés pendant le stage est disponible sur le site STI-Biotechnologies et ST2S à cette adresse : <http://www.ac-grenoble.fr/disciplines/sti/biotec/>.

*Gil Voge, Grenoble

Table des matières

Table des figures	2
1 Traitement d'images avec <i>Gimp</i>	3
1.1 Caractéristiques d'une image numérique	3
1.2 Outils de transformation	4
1.3 Luminosité - Contraste	4
1.4 Retouche de détails	5
1.5 Images composites - Manipulation des calques	5
2 Analyse d'images avec <i>ImageJ</i>	7
2.1 Manipulation de fichiers DICOM	7
2.2 Analyse quantitative d'un gel d'électrophorèse	9
2.3 Numération d'objets biologiques	10
2.4 Localisation sub-cellulaire de marqueurs fluorescents	10
2.5 Mise en évidence et quantification de la fluidité membranaire	11
2.6 Extension des capacités du logiciel : <i>plugins</i> et <i>macros</i>	12
2.6.1 Les Plugins	12
2.6.2 Les Macros	13
Glossaire	15

Table des figures

1	Interface de Gimp	3
2	Transformations géométriques	4
3	Réglages de luminosité et contraste	5
4	Retouche d'artéfacts d'acquisition	5
5	Calques et images composites	6
6	Accès aux informations textuelles d'un fichier DICOM	8
7	Manipulation de fichiers DICOM	8
8	Manipulation de fichiers DICOM (2)	9
9	Électrophorèse des protéines sériques	9
10	Colonies bactériennes sur une gélose	10
11	Microscopie en fluorescence	11
12	Recouvrement de Fluorescence Après Photo-blanchiment	12
13	Plugin Cell Counter	13
14	Macro Microplaque	14

1 Traitement d'images avec *Gimp*

The GIMP (The **GNU**¹ Image Manipulation Program) est un logiciel spécialisé dans la manipulation d'images numériques. C'est un logiciel du domaine public² qu'il est possible de télécharger (ici : <http://www.gimp.org/>) et d'utiliser gratuitement.

1.1 Caractéristiques d'une image numérique

Combiner plusieurs images d'origines différentes peut s'avérer fastidieux sans l'analyse préalable de leurs principales caractéristiques.

Activité 1 : Dans Gimp, ouvrir successivement les fichiers :

- alleles.png,
- Hb_electrophorese.jpg,
- HbS_hemolyse.tif,
- MGG_drepanocytose.jpg.

Pour chacune de ces images, rechercher la **taille** du fichier en mémoire, la **définition**, la **profondeur** (plage réservée à la quantification en niveaux de gris ou en couleurs), la **résolution** à l'affichage et les **dimensions** à l'impression. Ces informations sont accessibles, soit directement dans la fenêtre de l'image, soit dans le menu image.

Fichiers images (Nom.extension)	Taille mémoire (Mo)	Définition (pixels x pixels)	Résolution (ppi)	Taille impression (mm)	Profondeur (bits)
alleles.png					
Hb_electrophorese.jpg					
HbS_hemolyse.tif					
MGG_drepanocytose.jpg					

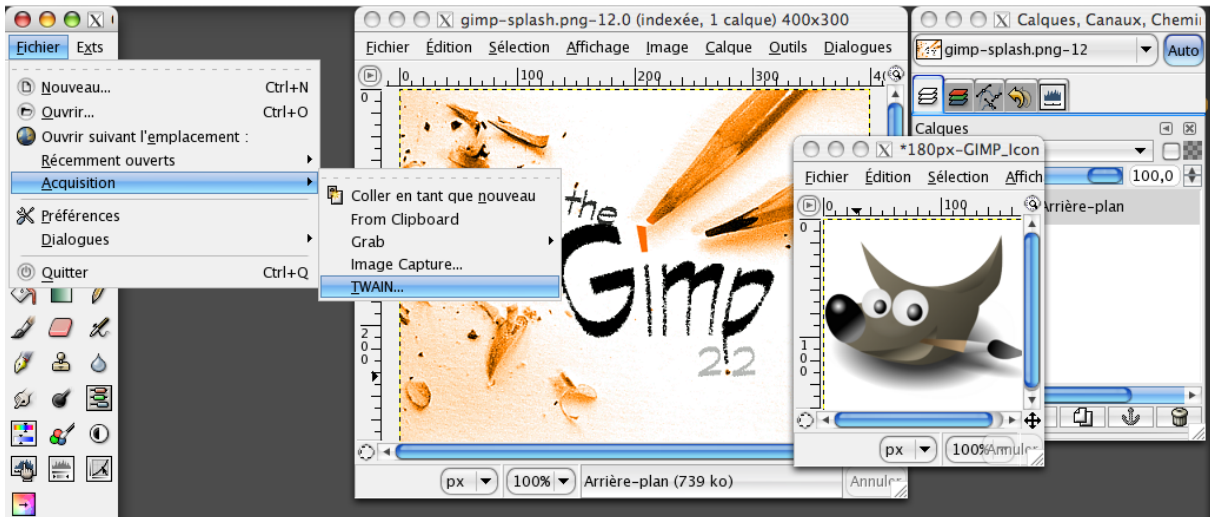


FIG. 1 – Repérer les différents éléments de l'interface de Gimp : les menus accessibles dans la fenêtre de l'image active et par un clic droit ; les informations concernant l'image active (taille, mode colorimétrique etc.) ; les outils accessibles dans la palette principale ou par le menu *outils* ; les *dialogues* (calques etc.) ; le menu *aide* (**Important** : L'aide de Gimp est accessible par le menu *Aide*. L'aide contextuelle permet d'accéder rapidement au mode d'emploi de chaque outil d'un simple clic.).

¹Acronyme récuratif de *GNU is Not Unix*. GNU est un projet initié en 1984 dans le but de produire un Unix gratuit. Depuis, de nombreux outils ont été créés par le projet GNU, qui peuvent remplacer ceux des systèmes commerciaux.

²Sous licence GPL (<http://www.gnu.org/copyleft/gpl.html>)

1.2 Outils de transformation

Le fichier `HbS_hemolyse.tif` a été numérisé avec un scanner³. L'image obtenue est mal orientée et mal cadrée, comme c'est souvent le cas lorsque la source est un ouvrage volumineux, difficile à positionner sur la vitre du scanner.

Activité 2 :

Utiliser les outils de transformation pour orienter précisément puis découper et dimensionner l'image en éliminant la légende (outils *Rotation* puis *Découper et redimensionner*).

Remarque : il est possible de placer des repères horizontaux et verticaux pour aligner correctement les objets.

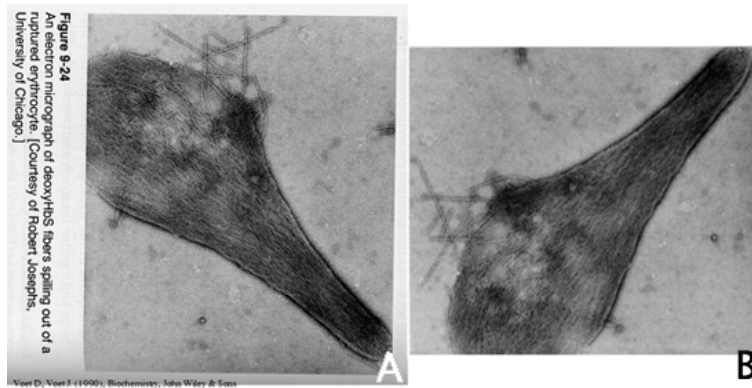


FIG. 2 – (A) Image brute de scanner (©Voet D. & Voet J., 1990, *Biochemistry*, John Wiley & Sons). (B) Résultat après transformations (orientation et découpage aux dimensions souhaitées).

1.3 Luminosité - Contraste

Dans certains cas, l'image brute d'acquisition est décevante, ne laissant pas apparaître correctement tous les détails de l'objet biologique étudié. Analyser une photographie sur des critères objectifs peut parfois constituer un gain de temps au moment de choisir l'outil de réglage le plus adapté.

Activité 3 : En comparant les histogrammes obtenus avant et après chaque action, régler la luminosité et le contraste de l'image précédemment orientée et découpée (`HbS_hemolyse.tif`), de façon à optimiser l'affichage des fibres d'hémoglobine S. L'outils : *Luminosité - Contraste* est rudimentaire mais suffisant dans la plupart des cas⁴.

³Gimp peut numériser des images par l'interface TWAIN (scanneurs, caméras numériques, tablettes graphiques etc.)

⁴L'outil *Courbe* est plus sophistiqué mais aussi plus délicat à utiliser.

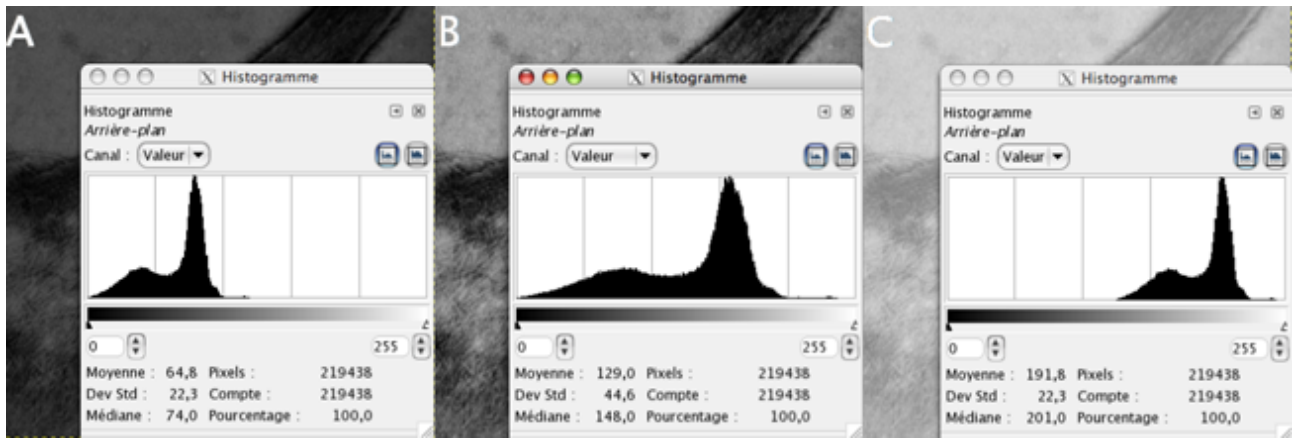


FIG. 3 – Deux cas extrêmes sont à éviter : (A) la sous-exposition (image trop sombre) et (C) la sur-exposition (image trop claire). Dans ces deux situations, des informations peuvent avoir été perdues au moment de l’acquisition et il est préférable de répéter la prise de vue pour obtenir un histogramme utilisant au maximum la profondeur disponible (B).

1.4 Retouche de détails

Souvent, des impuretés ou des défauts du système optique sont responsables d’artéfacts sur l’image finale. S’il est parfois possible d’agir en amont, lors de la prise de vue⁵, il est souvent nécessaire de savoir gommer certains détails non liés à l’objet biologique étudié.

Activité 4 : Utiliser l’outil *Cloner* pour retoucher certains détails de l’image MGG_drepanocytose.jpg.

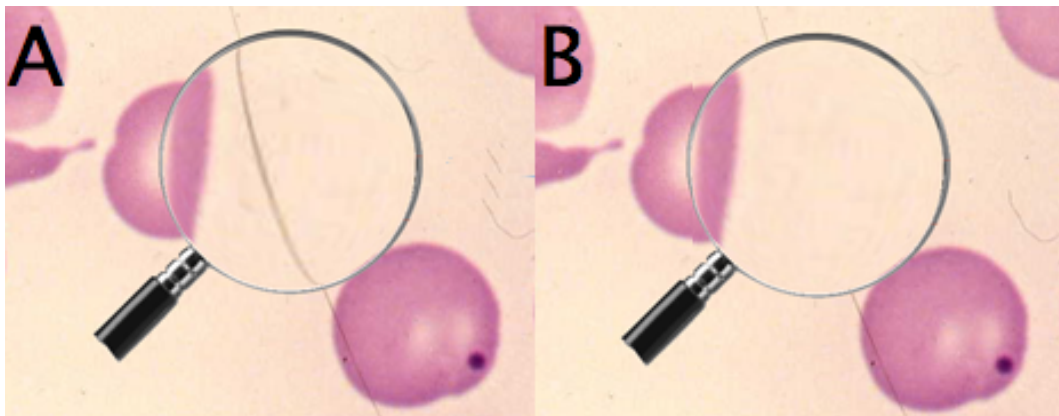


FIG. 4 – (A) Détail à gommer en le remplaçant par du fond. (B) Après utilisation de l’outil *Cloner*.

1.5 Images composites - Manipulation des calques

Gimp permet de placer les différentes parties d’une image dans des plans séparés, les calques. Il est possible de transformer, de retoucher, de peindre, d’écrire du

⁵En microscopie par exemple, si l’illumination n’est pas homogène sur tout le champ d’observation on peut prendre une photographie sans objet (le fond) puis soustraire systématiquement ce fond des images obtenues en présence des objets biologiques.

texte ou des symboles ou de tracer des courbes (tracés vectoriels)⁶ sur chaque calque séparément, sans que cela n'affecte les autres parties de l'image.

Principaux intérêts des calques :

- la possibilité d'afficher ou de masquer chaque calque séparément,
- la possibilité de régler séparément l'opacité de chaque calque,
- la possibilité de déplacer séparément chaque calque,
- la possibilité de dupliquer ou d'effacer séparément chaque calque.

Activité 5 :

Ouvrir dans Gimp un nouveau document au format A5 en mode paysage avec 300 *pixels/inch*. Ouvrir comme calques dans ce document, les fichiers *alleles.png*, *Hb_electrophorese.jpg*, *HbS_hemolyse.tif*, et *MGG_drepanocytose.jpg*.

Créer aussi des calques de texte et travailler sur chacun de ces calques de façon à obtenir une image du type de celle présentée à la figure 5.

Au final, enregistrer l'image au format XCF (spécifique de Gimp), ainsi qu'une copie au format PNG (*Portable Network Graphics*)⁷.

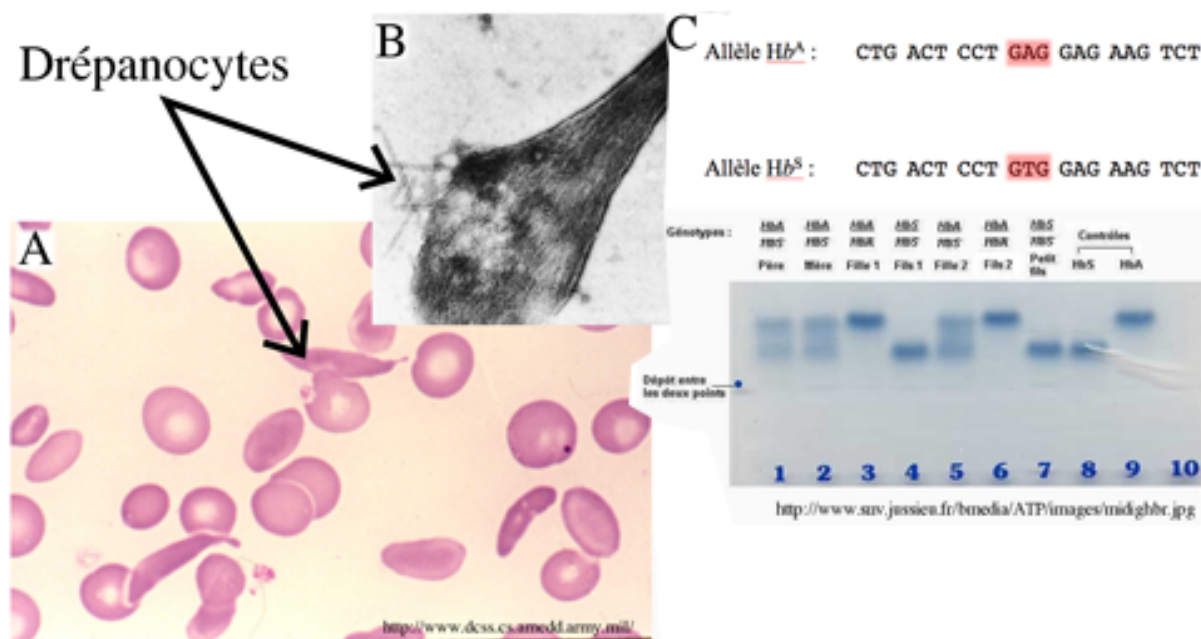


FIG. 5 – Création d'une image composite à partir de plusieurs images d'origines et de caractéristiques différentes. Porter une attention particulière aux dimensions d'affichage de chaque calque (parfois en raison de résolutions différentes).

⁶Menu *Filtres* > *Rendu* > *Figures géométriques* > *Gfig*. Lors de l'utilisation de ce filtre, les figures géométriques insérées de l'image seront placées dans un nouveau calque vectoriel réservé. Cela signifie que l'image ne sera pas modifiée, toutes les modifications se produisant sur ce calque. Mais attention, Gimp n'est pas un logiciel de dessin : l'aide de Gimp en français conseille d'utiliser un logiciel de dessin vectoriel tel que *Inkscape*.

⁷Le rendu final de l'image dans un format classique (PNG, JPEG, etc.) n'est possible qu'après fusion de tous les calques (aplatir l'image), qui est une opération irréversible. Le format natif de GIMP (XCF) permet de conserver les informations concernant les calques. Il est donc plus prudent de conserver aussi une copie de l'image dans ce format.

2 Analyse d'images avec *ImageJ*

ImageJ est un logiciel de traitement et d'analyse d'images particulièrement adapté aux applications en biologie et en médecine⁸. Développé en langage JAVA, il peut être utilisé sur toutes les plates-formes mais aussi en tant qu'*applet* dans un navigateur web [8].

ImageJ et sa documentation (<http://rsb.info.nih.gov/ij/docs/>) sont régulièrement mis à jour. Les fonctions de base (facilement extensibles par un système de *plugins*⁹) permettent d'aborder la plupart des domaines de la biologie. Enfin, ImageJ intègre un langage de *macro-commandes* destiné à faciliter l'automatisation des analyses répétitives.

ImageJ est aussi un logiciel du domaine public. Il n'est pas soumis au copyright et peut être téléchargé (ici : <http://rsb.info.nih.gov/ij/>) et utilisé gratuitement sur tout type de poste.

2.1 Manipulation de fichiers DICOM

L'extension `.dcm` désigne un fichier "DICOM" (*Digital Imaging and Communication in Medicine*), format désormais standard des fichiers numériques de résultats d'examens d'imagerie médicale (<http://medical.nema.org/>). Il recouvre aussi les spécifications concernant leur archivage et leur transmission en réseau. Indépendant des technologies (scanner, IRM, etc.), et des constructeurs, il permet de standardiser l'accès aux résultats d'imagerie médicale.

Outre les images numériques issues des examens médicaux, les fichiers DICOM véhiculent aussi nombre d'informations textuelles concernant le patient (état civil, âge, poids, etc.), l'examen réalisé (région explorée, technique d'imagerie utilisée, etc.), la date d'acquisition, le praticien etc.

La principale originalité de DICOM réside dans sa capacité à stocker des données brutes bien au delà de ce que peut afficher distinguer l'oeil humain sur un écran, et sur lesquelles les médecins peuvent travailler ultérieurement sans perte d'information. Un seul exemple : l'examen d'un organe peut fournir un échantillonnage d'une profondeur de 4000 niveaux de gris tandis que l'oeil humain ne distingue pratiquement aucune différence entre une image en 128 ou en 256 niveaux de gris.

Les logiciels lisant les fichiers DICOM sont donc spécifiques car ils permettent au praticien d'accéder simplement aux nombreuses informations textuelles incluses mais aussi d'explorer toute la profondeur d'échantillonnage en plusieurs fenêtres successives.

Activité 6 :

Essayer d'ouvrir le fichier `angiographie.dcm` et d'afficher les informations textuelles contenues dans ce fichier,

- avec Gimp (ou avec un autre logiciel de traitement d'images),
- puis avec ImageJ (menus *File* puis *Image > Show Info ...*).

⁸Écrit au *National Institute of Health*, ImageJ est fortement inspiré de NIH Image pour MacOS ou Scion Image pour Windows, initialement développés pour des applications en biologie et en médecine.

⁹Les plugins sont des fonctions additionnelles disponibles sur Internet. Il en existe des centaines.

Utiliser ImageJ pour :

- transformer le fichier `angiographie.dcm` en une planche contact (choix de clichés). Conserver seulement, par exemple, une image sur huit (menu *Image* > *Stacks* > *Make Montage ...*)
- découper le volume `t1-head.tif` selon un nouveau plan (menu *Image* > *Stacks* > *Reslice [/] ...*).

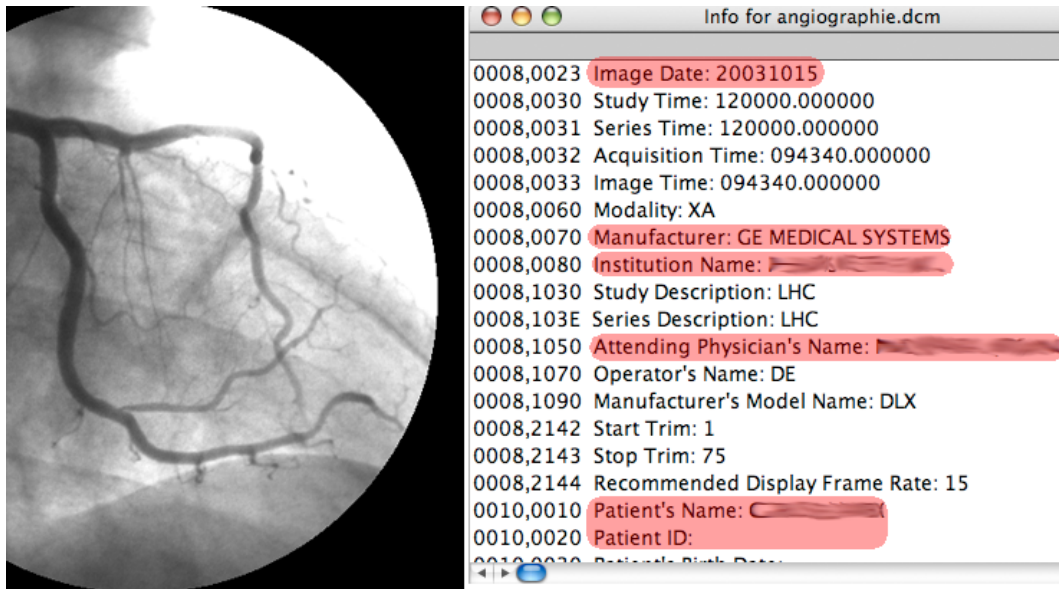


FIG. 6 – Affichage dans ImageJ des informations textuelles contenues dans un fichier DICOM. Comparé à d’autres logiciels dédiés à ce format, ImageJ possède peu de fonctions de manipulation des fichiers DICOM en standard¹¹. Il permet néanmoins de les préparer pour les réutiliser dans d’autres logiciels de traitement d’image, Gimp par exemple.

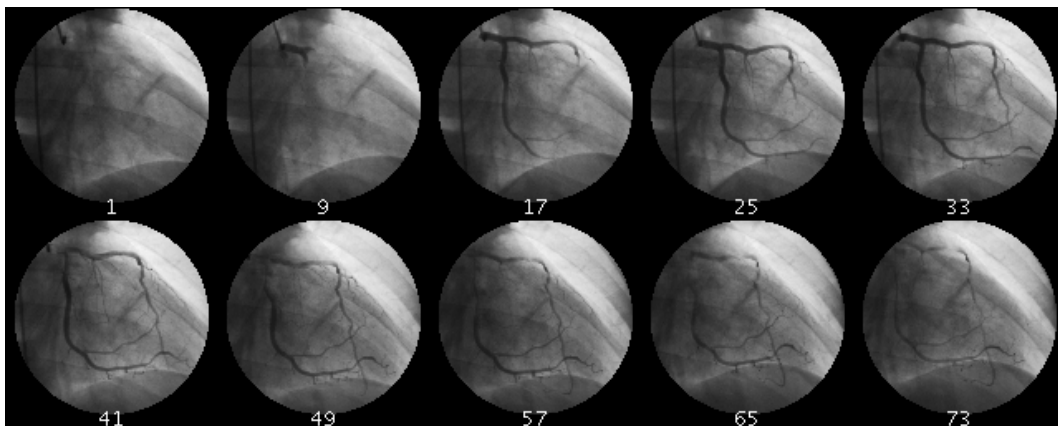


FIG. 7 – Sauvegardés au format PNG ou TIFF ..., les clichés deviennent exploitables par la plupart des logiciels de traitement d’image.

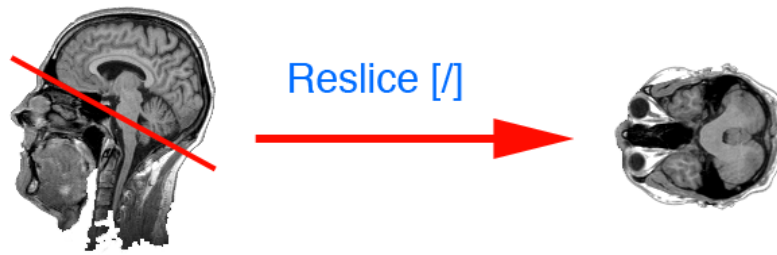


FIG. 8 – Une des particularités des fichiers d’imagerie médicale est de pouvoir contenir beaucoup plus d’informations qu’il n’est possible d’en afficher sur un écran ou même que l’œil humain ne peut en percevoir. Lorsque ces informations sont disponibles, ImageJ permet d’afficher d’autres coupes.

2.2 Analyse quantitative d’un gel d’électrophorèse

Dans sa version de base, ImageJ propose des fonctions permettant d’effectuer assez simplement l’analyse quantitative d’un résultat d’électrophorèse mais aussi d’une chromatographie sur couche mince, d’un *Western Blot* etc.

Activité 7 :

- Vérifier que toutes les options du menu *Analyze > Gels > Gel Analyzer options* ... sont cochées.
- Ouvrir le fichier *Sebia_Hydragel_K20.tif*, qui représente l’image d’un gel obtenu après électrophorèse des protéines sériques.
- Préparer cette image à l’analyse en la passant en niveaux de gris (8-bits).
- Tracer la courbe de densité correspondant, par exemple, aux la pistes de migration N°1 et 6 (outil *Rectangular selections* et menu *Analyze Gels > Select First Lane* puis *Select Next Lane* et enfin *Plot Lanes*).
- Délimiter les différents pics avant de mesurer l’aire de chacun d’eux grâce aux outils *Straight line selections* (pour délimiter l’aire de chaque pic), *Wand tool* (pour sélectionner et mesurer l’aire de chaque pic) et menu *Analyze Gels > Label Peaks* pour afficher les résultats).
- Enregistrer les résultats dans un fichier XLS (tableur Excel ou OpenOffice).

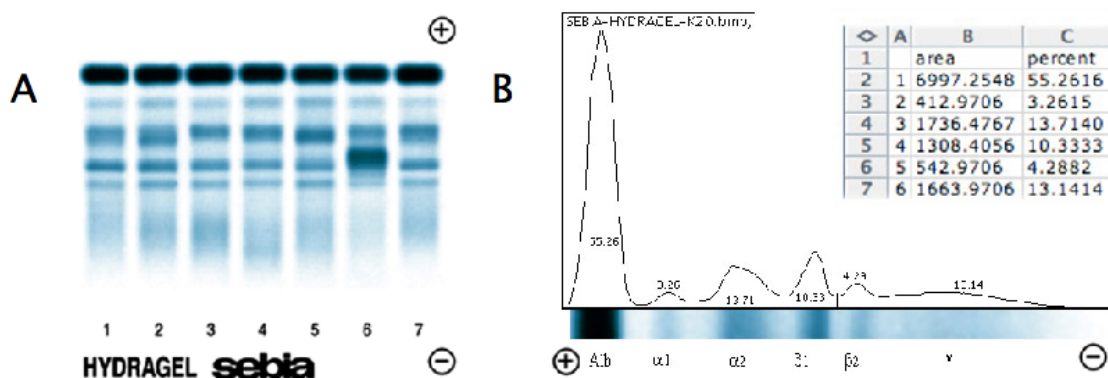


FIG. 9 – (A) Exemple d’image obtenue après numérisation d’un gel d’électrophorèse des protéines du sérum (©SEBIA : <http://www.sebia.com/>). (B) Résultats obtenus sur une des pistes de migration N°1 avec le module d’analyse *Gels* de ImageJ.

2.3 Numération d'objets biologiques

Le module d'analyse de particules peut être exploité pour compter et analyser la répartition des tailles d'objets semblables sur une photographie : hématies sur un frottis sanguin, colonies bactériennes sur une gélose, noyaux colorés au DAPI, cellules mobiles etc.

Activité 8 : Le fichier BP_Num_Surface.jpg représente des colonies bactériennes isolées sur une gélose dans une boîte de 90 mm de diamètre.

- Si nécessaire, dimensionner et cadrer le disque de gélose de façon à ce que l'image tienne entièrement dans l'écran (menu *Image > Scale*).
- À l'aide de l'outil *Elliptical selections* et du menu *Edit > Clear outside*, éliminer tout ce qui se trouve à l'extérieur de la zone de comptage.
- À l'aide de l'outil *Flood Fill Tool* (pot de peinture), remplir avec la couleur de fond tout ce qui se trouve à l'extérieur de la zone de comptage (sélection de la couleur dans *Options > Colors*, choisir *Foreground = Black*).
- Étalonner le logiciel en mm (outil *Straight Line* et menu *Analyze > Set Scale ...*).
- Passer à un codage en niveaux de gris (8-bits).
- Seuillage : définir les intensités minimum et maximum permettant d'isoler les colonies bactériennes du fond de l'image (menu *Image > Adjust > Threshold ...*).
- Effectuer l'analyse de particules pour dénombrer les colonies à la surface de cette gélose (menu *Analyze > Analyze Particle ...*) et enregistrer les résultats au format XLS.
- Tracer l'histogramme de répartition des surfaces des colonies exprimées mm^2 (menu *Analyze > Distribution ...*). Avant cela il peut-être nécessaire d'inspecter le menu *Analyze > Set Measurements ...*.

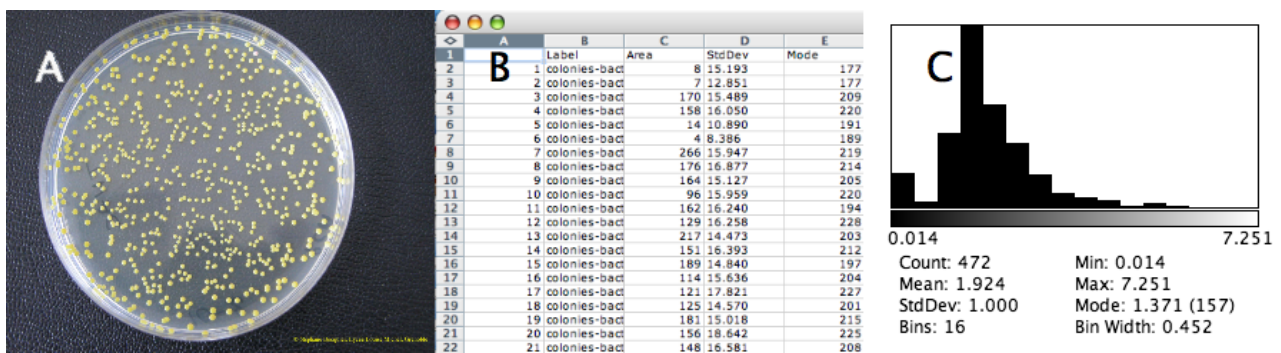


FIG. 10 – (A) Dans cet exemple, les objets biologiques à compter et à mesurer sont des colonies bactériennes isolées sur une gélose de 90 mm de diamètre (photographie fournie par S. Bocquier, *Lycée Louise Michel*, Grenoble). (B) Les résultats sont disponibles en TXT ou XLS. (C) Histogramme de répartition des surfaces des colonies comptabilisées (unité = mm^2).

2.4 Localisation sub-cellulaire de marqueurs fluorescents

Deux photographies de cellules transfectées par un gène chimère (sous le contrôle d'un promoteur viral), ont été effectuées sur le même champ microscopique grâce à deux jeux de filtres différents.

- L'image **DAPI .jpg** est obtenue par le marquage des noyaux au DAPI. Le DAPI (Di-Amidino-Phenyl-Indol) se fixe spécifiquement sur l'ADN et émet une fluorescence bleue (max à 456 nm) lorsqu'il est éclairé en lumière violette (max à 372 nm).
- L'image **GFP .jpg** est obtenue exactement sur le même champ d'observation que la précédente mais avec un jeu de filtres adapté à l'observation de la fluorescence de la GFP. La GFP (*Green Fluorescent Protein*) est une protéine fluorescente de méduse qui absorbe la lumière bleue (max à 420 nm) et émet une lumière dans le vert (max à 510 nm). Pour être plus précis, dans cet exemple les cellules sont transfectées par une construction génétique obtenue en fusionnant le gène de la GFP avec le gène de la protéine étudiée.

Selon le jeu de filtres utilisé, le champ d'observation peut donc fluorescer en bleu (DAPI) ou en vert (GFP). La caméra utilisée ne restitue que des images en niveaux de gris.

Activité 9 : Fusionner ces deux images pour fabriquer une image en fausses couleurs (menu *Image > Color > RGB Merge ...*). Ces images permettent de déterminer :

- la fraction des cellules observées qui expriment le gène chimère (évaluation de l'efficacité de la transfection),
- la localisation sub-cellulaire du produit de la construction génétique.

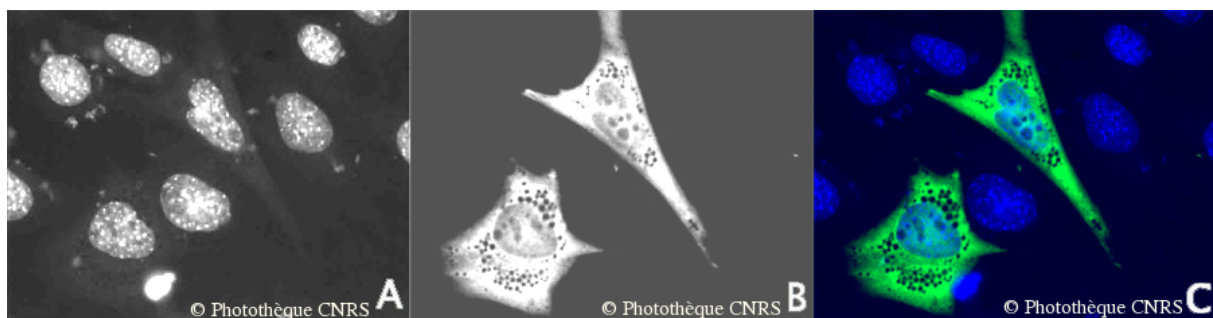


FIG. 11 – (A) Image obtenue au microscope à fluorescence par marquage des noyaux au DAPI. (B) Image obtenue au microscope à fluorescence de la GFP (même champ que l'image A mais avec un jeu de filtres différent). (C) Résultat en fausses couleurs de la fusion des images A et B. (©Photothèque CNRS, Karim Chebli, Jamal Tazi, Latifa Zekri, *Université Montpellier 2*) - Ici les limites de la version de base du logiciel sont atteintes : l'analyse quantitative des colocalisations sub-cellulaires est un exemple d'application impliquant le chargement de *plugins* spécialisés.

2.5 Mise en évidence et quantification de la fluidité membranaire

Des membranes sont incubées avec des phospholipides couplés à un fluorochrome. Les phospholipides se répartissent uniformément dans la membrane et la fluorescence est homogène sur toute la surface observée. On peut ensuite irradier une petite zone de la membrane avec un flash de faisceau laser qui détruit localement et irréversiblement le fluorochrome. C'est le phénomène de photo-blanchiment.

On mesure alors, en fonction du temps, l'intensité de la fluorescence qui réapparaît dans la zone irradiée au laser. La courbe obtenue est du type de celle présentée dans la figure 12.

Activité 10 : Le répertoire `FRAP_membrane` contient une série de photographies du même champ d'observation, prises successivement lors d'une expérience de photo-blanchiment [4]. Utiliser ces fichiers pour suivre la réapparition de la fluorescence (menus *File > Import > Image Sequence ...* et *Image > Stacks > Plot Z-axis Profile*).

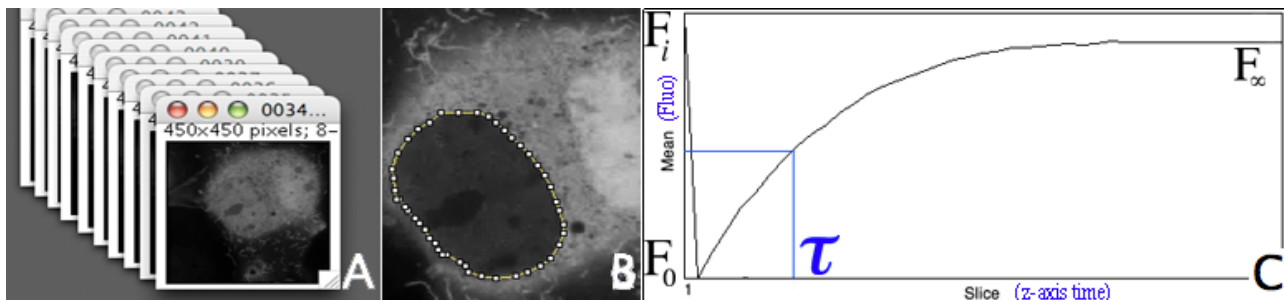


FIG. 12 – (A) Pile d'images obtenues en photographiant la zone blanchie à intervalles de temps réguliers (©Biochem. J.). (B) Sélection de la zone à analyser, identique pour toutes les images de la pile. (C) Évolution de la fluorescence en fonction du temps dans la zone d'observation ; F_i : fluorescence initiale (avant photo-blanchiment) ; F_0 : fluorescence à $t = 0$ s ; F_∞ : fluorescence après réapparition ; La réapparition de la fluorescence suit une loi, pour laquelle on définit un temps caractéristique τ , qui est le temps nécessaire pour obtenir une fluorescence d'intensité égale à la moitié de la fluorescence initiale. Cette valeur est caractéristique de la vitesse de diffusion latérale des phospholipides dans la membrane.

2.6 Extension des capacités du logiciel : *plugins* et *macros*

2.6.1 Les Plugins

Les *Plugins* sont des programmes additionnels (écrits en Java). Le site officiel de ImageJ répertorie les principaux plugins disponibles.

Utilisation d'un plugin :

- Pour fonctionner un plugin-ImageJ doit être copié dans le répertoire *plugins* du logiciel. Ce répertoire est organisé en sous-répertoires qui définissent autant de sous-menus pour le menu *Plugins*.
- Au démarrage suivant, ImageJ prendra en compte les plugins installés dans ce répertoire.

Activité 11 : Installation et utilisation du plugin *Cell Counter* (<http://rsb.info.nih.gov/ij/plugins/cell-counter.html>) pour effectuer une formule leucocytaire sur une série de frottis sanguins colorés au May-Grünwald-Giemsa.

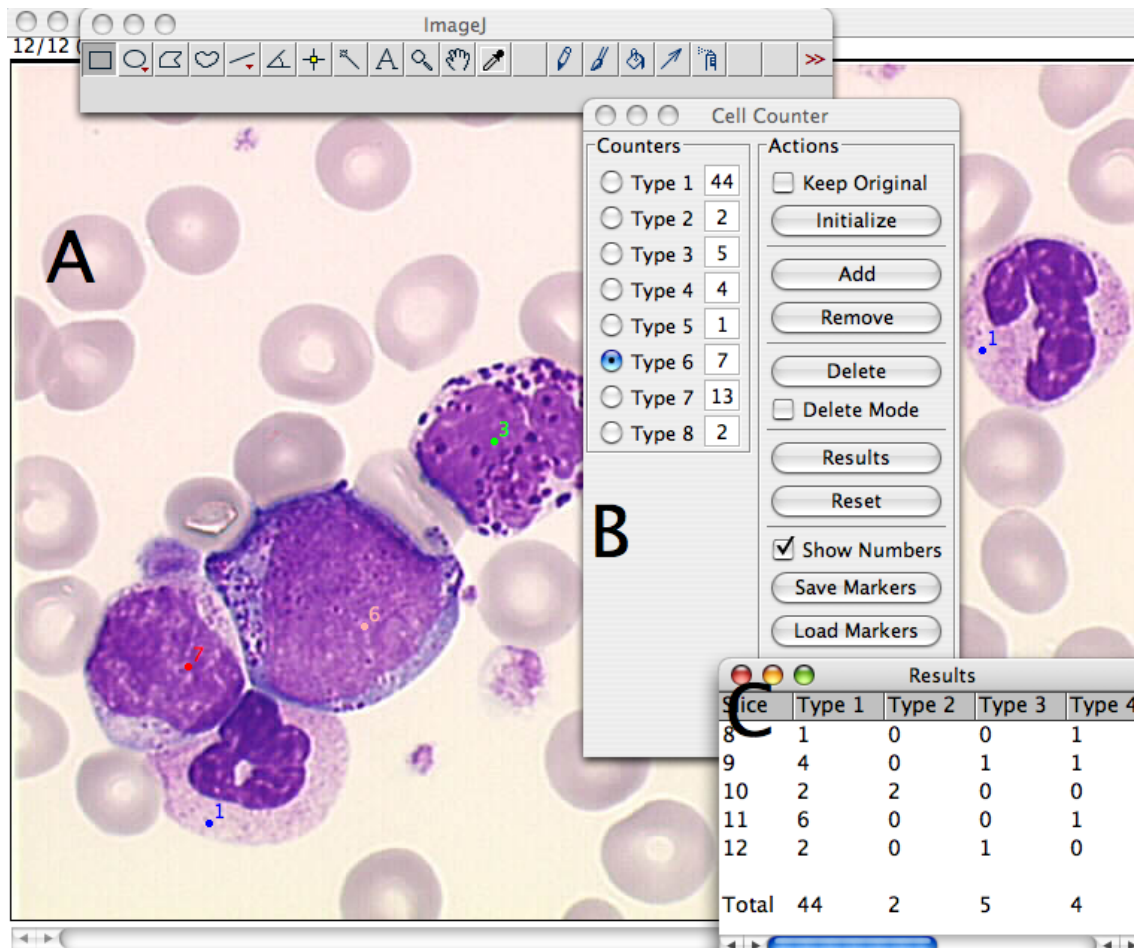


FIG. 13 – Utilisation du plugin *Cell Counter* pour l'analyse d'une série de frottis sanguins colorés au May-Grünwald-Giemsa (Cas d'une leucémie myéloïde chronique ©Laboratoire d'hématologie, CHU d'Angers : http://www.med.univ-angers.fr/discipline/lab_hema/index.shtml). (A) Chaque cellule peut être repérée par un marqueur de couleur correspondant à un des types cellulaires définis à l'avance. (B) Interface de *Cell Counter* : dans cet exemple, huit types cellulaires ont été définis. (C) Les résultats peuvent être enregistrés au format .TXT ou .XLS.

2.6.2 Les Macros

Dans ImageJ, la façon la plus simple de créer une macro est d'appeler le menu *Plugins > Macros > Record* puis d'exécuter la séquence des opérations à enregistrer. Le code est généré automatiquement et stocké dans un fichier texte. La macro pourra éventuellement être modifiée par la suite en éditant ce fichier texte.

Activité 12 : Ouvrir le fichier *microplaque.jpg* puis utiliser le menu *Plugins > Macros > Record ...* pour enregistrer la séquence d'opérations suivantes :

- Conversion en niveaux de gris (8-bits)
- Optimisation du contraste
- Inversion des niveaux (de cette façon les cupules initialement les plus colorées deviennent les plus claires)
- Utilisation de l'outil de sélection ovale et du menu *Analyze > Measure* sur chacune des 96 cupules
- Enregistrement de la macro dans un fichier .TXT

Utilisation d'une macro :

- Écriture des instructions directement dans un fichier texte
- Enregistrement (par exemple dans le répertoire *macros* de ImageJ qui en contient déjà plusieurs centaines)
- Installation (menu *Plugins > Macros > Install ...*)
- Lancement (le nom des macros installées apparaît dans le menu *Plugins > Macros > Install ...*)

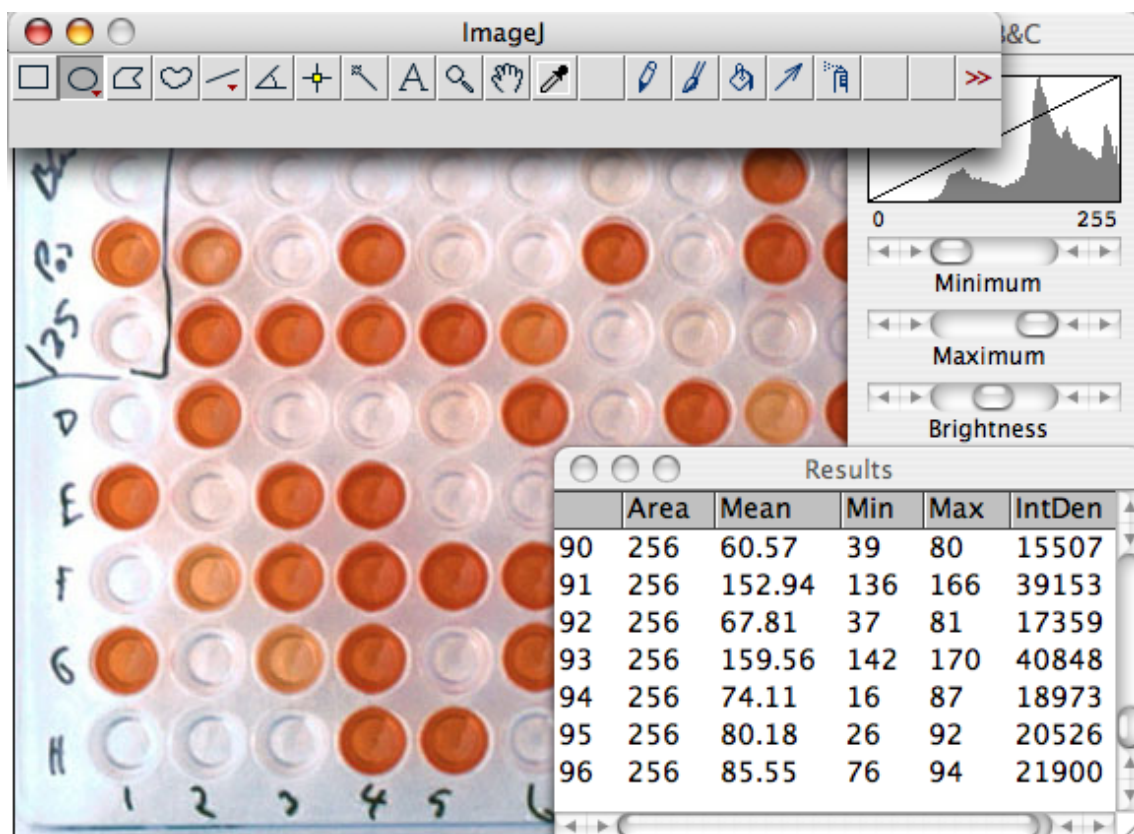


FIG. 14 – Exemple d'utilisation d'une macro pour automatiser l'analyse des cupules d'une microplaque (image ©<http://www.biocontrol.ucr.edu/photos/WFT/elisa.jpg>).

Glossaire

Analyse d'image Reconnaissance des éléments contenus dans l'image. Elle aboutit généralement à des données quantitatives. Elle peut être automatisée à condition d'avoir pu démontrer sa fidélité (reproductibilité dans différentes conditions). Il ne faut pas confondre *analyse* (décomposition de l'image en éléments) et *traitement* ou *retouche* (action sur les composantes) de l'image.

Applet ou en français une “appliquette” ou parfois une “applette”, est un logiciel qui s'exécute dans la fenêtre d'un navigateur Web (en pratique, sans installation préalable sur l'ordinateur).

CIE Commission Internationale de l'Éclairage, responsable des standards permettant de définir les couleurs indépendamment des périphériques informatiques utilisés pour leur restitution.

CMJN (en anglais CMYK) Mode de représentation utilisé pour la synthèse soustractive (ou par superposition) des couleurs, dans laquelle les trois couleurs primaires sont le Cyan (*Cyan*), le Magenta (*Magenta*), le Jaune (*Yellow*). Le noir obtenu par la superposition de ces trois couleurs est renforcé par l'ajout de Noir (*Kohl*, certainement en référence à la poudre sombre utilisée au Népal et en Inde). Cet espace colorimétrique, utilisé dans les systèmes d'impression, est aussi appelé *quadrichromie*.

Couleurs complémentaires Deux couleurs sont dites *complémentaires* si leur association donne du blanc en synthèse additive, ou du noir en synthèse soustractive.

Définition Elle représente la taille de l'image exprimée en pixels. Une image de 800 x 600 pixels (largeur x hauteur) a une définition égale à 480 000 pixels. *Définition* n'est pas synonyme de *résolution*.

DICOM *Digital Imaging and COmmunications in Medecine* “imagerie et communication numériques en médecine” est un standard de communication et d'archivage en imagerie médicale. C'est aussi par extension le format de fichier faisant référence dans le domaine de l'imagerie médicale.

DPI *Dot Per Inch* En français Point Par Pouce (PPP). Indicateur de la résolution utilisée par les systèmes de traitement des images numériques (1 inch = 2,54 cm). La résolution moyenne d'un moniteur est actuellement de l'ordre de 72 dpi tandis que celle d'une impression papier est plutôt située entre 150 et 600 dpi.

Gamut Gamme utile des couleurs reproductibles sur un appareil de mesure ou sur un périphérique informatique.

Java™ Langage mis au point par la société SUN s'exécutant sur toutes les plateformes matérielles et qui peut être utilisé sous forme d'applet dans les navigateurs.

JPG (ou JPEG) *Joint Photographic Expert Group* Format très répandu de compression d'images, en particulier des photographies. Principales caractéristiques : 16 millions de couleurs, possibilité d'un fort taux de compression mais au prix d'une dégradation de l'image, ne gère pas la transparence.

LUT Table de fausses couleurs ou couleurs indexées (*Look Up Table*).

Nuancier Catalogue de sélection des teintes dans un logiciel de traitement d'images numériques. Il peut utiliser les représentations RVB, HSL et parfois CMNJ.

Macro Suite d'instructions programmée pour être exécutée dans un ordre déterminé par le logiciel. Les macros permettent d'automatiser les opérations répétitives et fastidieuses.

PICA Une résolution de 72 dpi (typiquement l'affichage sur un écran) correspond à des pixels de $1/72^e$ de pouce, soit 0,353 mm, la valeur d'un Point Pica qui est l'unité typographique anglo-saxonne.

Photo-blanchiment On peut observer expérimentalement la décroissance naturelle de l'intensité d'émission des molécules fluorescentes (fluorochromes) au cours du temps. Appelé *photo-blanchiment* (*photobleaching* ou *fading*), ce phénomène apparaît lorsqu'un fluorochrome perd de façon irréversible sa capacité à émettre de la lumière par fluorescence. Quoique mal connu, il peut s'expliquer par une modification de la structure moléculaire du fluorophore qui réagit avec son environnement immédiat sous l'action d'un flux intense de photons. S'il n'est généralement pas désiré, le photo-blanchiment peut néanmoins être exploité pour étudier certaines propriétés des membranes biologiques [3, 5].

Plugin Logiciel annexe d'un logiciel principal auquel il apporte des fonctionnalités supplémentaires. Des navigateurs web (Firefox), des logiciels de retouche d'images (Gimp) ou d'analyse d'images (ImageJ) peuvent être considérablement enrichis par l'ajout de plugins.

PNG *Portable Network Graphic* Format d'images dont les principales caractéristiques sont : 65536 couleurs, possibilité de transparence (comme le GIF), compression ne dégradant pas l'image (contrairement au GIF), libre de droits et promu par le W3 consortium pour les images sur Internet. PNG est considéré comme un format alternatif au GIF.

PPP Voir DPI

Quadrichromie Voir CMNJ

Résolution Elle représente le nombre de points par unité de surface. La résolution est exprimée en points par pouce ou PPP (en anglais, *Dot Per Inch* ou *DPI*), sachant que 1 pouce égale 2,54 cm. La résolution est liée à la taille de l'image réelle sur un support physique (papier, écran) mais n'est pas synonyme de *définition*. Il existe, par contre, une relation entre le nombre de pixels d'une image et la taille sur un

support physique (éventuellement différente entre l'écran et le papier).

Quelques valeurs de référence :

- Résolution d'un écran d'ordinateur : 72 dpi
- Impression papier : 150 (brouillon) - 300 (qualité) dpi
- Un scanner peut numériser des images bien au delà de 2000 dpi → nécessaire uniquement si les objets sont destinés à être agrandis

ROI *Region Of Interest* C'est une zone de l'image délimitée par un outil de sélection (carré, oval, lasso, à main levée ...) et à laquelle sera appliquée un traitement ou une analyse.

RVB (en anglais *RGB*) Mode de représentation utilisé pour la synthèse additive des couleurs dans laquelle les trois couleurs primaires sont le Rouge (*Red*), le Vert (*Green*) et le Bleu (*Blue*). Cet espace colorimétrique est employé dans les systèmes d'affichage, de projection et de numérisation (capteurs).

TIF ou TIFF *Tagged Image File Format* Format multiplateformes et utilisé par la plupart des logiciels de retouche d'image, très répandu pour images matricielles (*bitmap*). Souvent employé comme format de sortie des images numérisées par un scanner. Principales propriétés : compressé (sans perte contrairement au JPEG) ou non, 16 millions de couleurs, ne gère pas la transparence.

TSL (en anglais *HSL*) Mode de gestion des couleurs dans lequel les paramètres ajustables sont la Teinte (*Hue*), la Saturation (*Saturation*) et la Luminosité (*Light*). Ce système a été mis au point pour faciliter le choix d'une couleur en infographie.

Références

- [1] Gallin É. Akkouche S. *Cours d'infographie*. LIRIS CNRS Université Claude Bernard, Lyon.
- [2] CRDP de Grenoble. Les images numériques.
- [3] Schechter E. *Biochimie et Biophysique des Membranes*. Masson, Paris, 1990.
- [4] Sunn K. L. et all. FRAP Analysis of nucleocytoplasmic dynamics of the vitamin D receptor splice variant VDRB1 : preferential targeting to nuclear speckles. *Biochemichal Journal*, 388 :509–514, 2005.
- [5] Trugnan G. et all. et all. FRAP, FLIP, FRET, BRET, FLIM, PRIM... : De nouvelles techniques pour voir la vie en couleur ! *M/S : Médecine Sciences*, 20(11) :1027–34, 2004.
- [6] Kabab M. *GIMP Starter Kit*. CampusPress, 2006.
- [7] Bonnet N. *Concepts fondamentaux de l'image numérique*. Université de Reims, cours de DEA edition, 2006.
- [8] National Institute of Health. Image Processing and Analysis in Java.
- [9] Chabloz R. *L'image numérique : vecteurs, bitmap, modes de couleur, scanner et résolutions*, 2004.
- [10] Usson Y. *Traitement et analyse d'images 2D et 3D*. TIMC-IMAG, Grenoble, cours de DEA edition, 1999.